

Registro RENIECYT-SECIHTI: 2000001

# Curso de Docking Proteína-Proteína

Constancia con validez oficial de red SEP-CONOCER EC 0301 y próximamente EC 0366



Profesor: M en C Alberto Domínguez Guillen

Modalidad asincrónicas: https://pharbiois.milaulas.com/

Inicia: 8 de septiembre del 2025

Duración: 15 horas

Fresno Norte No 14. San Miguel Tehuisco, Alcaldía Tlalpan C.P.14500 pharmacologicalandbiotechnology@gmail.com

www.pharbiois.com

Pharbiois

Science for life

#### Acerca del curso

Este curso ofrece fundamentos teórico-prácticos en bioinformática estructural aplicada, enfocados en la predicción y análisis de interacciones proteína-proteína mediante docking molecular. Aprenderás a utilizar servidores como HDOCK, ClusPro, HADDOCK, entre otros, para modelar y evaluar interfaces proteicas con aplicaciones en procesos biológicos y el diseño de nuevas estrategias terapéuticas. Requisitos: conocimientos básicos de química general, bioquímica de proteínas, y recomendable haber cursado previamente el "Curso de Docking Proteína-Ligando con Autodock". Esta formación es altamente útil en investigación académica, desarrollo de fármacos y el sector industrial biotecnológico.

# **Temario**

#### I.- Fundamentos de la Interacción Proteína-Proteína

- Introducción al docking proteína-proteína
- Niveles estructurales de las proteínas: primaria, secundaria, terciaria y cuaternaria
- Importancia del docking en la biología estructural y el diseño de fármacos

#### II.-Metodologías de Docking Proteína-Proteína

- Clasificación de las estrategias de docking
- Docking ciego
   Docking dirigido
- Docking exible
- Criterios para seleccionar el método adecuado en predicciones de docking

#### III.- Técnicas y Herramientas para el Docking Proteína-Proteína

Fresno Norte No 14. San Miguel Tehuisco, Alcaldía Tlalpan C.P.14500 pharmacologicalandbiotechnology@gmail.com

www.pharbiois.com
Pharbiois
Science for life

- Principales enfoques computacionales
- Introducción a servidores de docking:
- o HDOCK
- ClusPro
- o FRODOCK 2.0
- SwarmDock
- o HADDOCK
- PatchDock
- SymmDock
- IV.- Estudio de docking usando ClusPro
  - Estudio de docking proteína-proteína usando ClusProt
  - Selección de proteínas
  - Entrar al servidor y hacer simulación
- V.- Evaluación y Análisis de Resultados
  - Evaluación y selección de modelos predichos
  - Análisis de la interfaz de interacción entre cadenas proteicas
  - Interpretación estructural y validación de predicciones

Inversión: 1499.00 MXN (85.2 USD). Cuenta: CLABE SANTANDER: 0141-8065-5079-1315-04 a nombre de: Pharmaceutical and Biotechnological Innovation Services SAS de CV, enviar comprobante a: <a href="mailto:pharmaceuticalandbiotechnology@gmail.com">pharmaceuticalandbiotechnology@gmail.com</a> y ventas @pharbiois.com. En la página https://www.pharbiois.com/inscribirme-docking-proteina puede pagar con PayPal, Mercado Pago y stripe. Descuentos a alumnos de licenciatura 10 %, alumnos de posgrado, posdocs o haber tomado cursos en www.pharbiois.com 5%.

Comentario al curso de otros usuarios

www.pharbiois.com

Pharbiois

Science for life

Respecto a contenido y a la plataforma de uso es de mucha utilidad y existe bastante retroalimentación por parte del profesor y de los participantes

Vi una gran cantidad de conceptos de muchas áreas que apoyan el Modelado molecular

Excelente curso, los temas presentados estuvieron conforme al programa, las actividades fueron buenas y siempre con respuesta del Dr